投稿流程

此网页内容有相应PDF文档可供下载。

此网页内容有相应 PDF文档可供下载。

在线投稿

Spandidos Publications使用在线提交和追踪系统，从而为作者提供更快更高效的服务。

目录

投稿指南 4
1. 投稿方法 5
2. 附函 5
3. 文章和综述的格式 5
3.1 一般格式 5
3.2 稿件 5
3.3图表7
3.3.1 文件格式 8
3.3.2 色彩模式 9
3.3.3 图像大小 9
3.3.4 图像分辨率 10
3.3.5 导出/拍摄/保存图表 11
3.3.6 文件篇幅大小 11
3.3.7 图表标签 11
3.3.8 图表外观 16
3.3.9 版权 16
3.4 图例 17
3.5 表格 17
3.6补充资料 17
3.7 术语和缩写 17
3.8生化试剂特性 17
3.8.1 化学属性 17
3.8.2组合化学库 17
3.8.3 分子生物学属性 18
3.8.4 生物学属性 18
3.8.5 样本纯度 18
3.8.6 光谱数据 18
3.8.7 小分子晶体学数据 18
3.8.8 大分子结构数据 19
3.8.9 化学结构 20
3.9 参考文献 21
3.10声明 22
3.11报告标准 27
4. 校对 28
5. 再版 28
6. 文章处理费 28
7. 开放获取 29

8. 符合资助机构的要求 29
9. 资助机构政策与协议 29
10. 自我存档 30
11. 英文校对、稿件编排和图表编制 30

投稿 指南

- Spandidos Publications的主要目的是迅速出版用英文撰写的优质原创作品。
- 如果稿件反映原创作品，或属于概述和解释某个专题领域进展的综述性文，且其他期刊并未考虑出版，则可予以接纳。
- 稿件应以清楚、简明的英语撰写，且应包含所有必要数据，以使介绍内容清晰明了，可重现研究结果。
- 作者若不是以英文为母语的人士，但希望提升英语水平，确保意思表达清晰，可访问以下链，充分利用 Spandidos Publications提供的英语编辑服务：http://www.spandidospublications.com/languageediting
- 所投递的全部材料将由编辑办公室确定的合适审稿人进行审阅，并会进行检查，以查明是否有不恰当地使用过往出版的无署名材料。
- Spandidos Publications在出版前使用 iThenticate来筛查是否有抄袭剽窃之处。 iThenticate软件将所投递的稿件与已出版的研究和其他相关资料进行核对。iThenticate也可用于在投稿前筛查稿件。
- 提交的图表将用猫头鹰图像检测软件进行审查。
- 编辑保留改善稿件的语法和格式的权利。
- 通信作者负责代表所有投稿的作者。

在提交之前，请确保手稿是按以下指南准备的。

1.投稿方法

手稿仅可使用本网站的在线投稿系统进行投递。创建用户帐户，登录并遵循屏幕指示。

2.附函

请扼要概述所提交作品的重点，包括对待提交研究的扼要说明，即该研究是介绍新颖作品的原创研究，过去并未向任何其他期刊投稿或被任何其他期刊接纳，已获得所有作者的批准，且已取得伦理批准和知情同意书，并解释作者是否有利益冲突。

3.文章和综述的格式

3.1一般格式

•字体为TimesNewRoman，字号 12，间距 1.5,左右对齐（alignmentjustified）。
•在每个新段落的第一行使用单个制表符。
•不要在分段之间使用分页符或多个‘返回’（即一个段落章节应紧接着同一页面的上一段落）。
•请勿插入页码或行号。
•副标题和一般标题应以小写字母（非大写字母）呈列。
•通篇请使用英式英语或美式英语，不要混用。

3.2稿件

首页应包括：
•句首字母大写的稿件标题。除基因名称或普遍用法外，不得出现缩写。
•所有作者的全名和完整通讯地址（但不包括街道名称），如愿意，还可提供 ORCID。
•用编号（非符号）标明作者的工作单位。
•用星号标明同等贡献。
•通讯作者的姓名、完整的通讯地址（包括街道号和名称）和电子邮件地址。
•避免使用您所在工作单位以外的邮箱。
•编写（如有涉及）。
•关键字（5至 10个）。
•栏外标题（包括空格和作者的姓名不超过 100个字符）。例如：PEARSON et al: REGULATIONOFHER2EXPRESSIONBYNASCENTGROWTHFACTORS
报告试验结果的稿件必须分为以下章节：
•摘要
○该节应包括 150至 300个的单词，连续（非结构化）的且不含参考文献编号。除基因名称外，只出现一次的缩写应列出完整的定义。如果多次出现的缩写，则其完整定义只应列出一次，随后应用于整个摘要中。
•引言 ○该节的内容应始终被引用。
•材料和方法

- 该节应包括足够的技术资料，以使实验可以重复。本节应包括在结果部分和图表所提到的实验的完整描述。每项实验需要提及所有步骤（如 DNA和蛋白质提取、定量、克隆、聚合酶链式反应(PCR)和显微镜的使用、孵化温度和持续时间），以及进行分析所用的仪器、试剂和方法（如蛋白质量化的 BCA法，定量聚合酶链式反应(qPCR)的ΔΔCq法）和相关引述。
- 就采用商业化套件进行的步骤而言，请提供该套件的全称和供应商的全称与所在地（国家、省份或州（美国/加拿大）和城市），并说明是否遵循了制造商的协议，或解释对标准协议所作的任何修改。就PCR反应而言，请提供所用套件的名称、5端至 3端引物的顺序、反应中所有试剂的昀终浓度和循环条件。请仔细审阅您的文本，确保已清楚解释 PCR类型（定量或半定量）。如果使用通过反转录（RT）产的 RNA样本合成的互补 DNA进行 PCR，请确保已描述所有步骤，并将该方法称为RT-PCR或 RT-qPCR（如为定量）。需就所使用的所有试剂（包括化学品）、仪器（如热循环仪、显微镜）和软件提供制造商/供应商/软件的详细资料，昀好附上相应的套件编号/型号/版本。就抗体而言，请解释任何抗原修复步骤，提及所使用的稀释度，并说明目录号和供应商。抗体资料包括其类型（单克隆/多克隆）、培养抗体的物种和目标物种（如鼠抗人）。就离心法的步骤而言，请提供离心力单位 xg，而不是每分钟转数（rpm）。
- 就生物信息学分析而言，请说明所使用的软件和相关引述，但如果软件尚未发布，则可提供网址。就从 GEO或其他数据库下载的微阵列/RNA序列、数据而言，需在文本中加以澄清，并提供相应的数据集检索号。应描述软件使用的参数（默认值、用于研究的特定值）和所采用的阀值；请明确列出参数，如“关联值”或“假阳性率”。就对来自公共数据库的数据进行的一切软件分析而言，请引述有关数据库（由于数据持续更新，还要提供访问数据库的日期）和物种（如人类）。如果图表/表格含有来自公共数据库（如 Gene Ontology/KEGG）的数据，请在图例/标题中明确引述资料来源。就公开的序列而言，请提供检索号。
- 应清楚辨别所有实验中所用材料的来源和相关伦理框架（伦理批准及/或知情同意书）。对于涉及到应用组织的手稿，请解释如何收集、处理和储存组织，并解释组织的来源。就菌株或细胞而言，请提供其名称和供应商。对于涉及到人体受试者的手稿，须至少提供以下资料：对象数目、年龄范围、性别比例、健康状况、上述参数的对照组和病人的匹配度。请注意，应避免用“正常”来描述对照组；相反，需要描述准确的健康状况，如“健康”或“无肿瘤并发症记录的个体”。

○请注意，图例不包括已在“材料和方法”中描述的资料，但特定的图像资料除外，
如就显微镜的使用而言，请提及图像的类型，例如在未使用比例尺的情况下的荧光和原放大倍数。 ○图例应提供有关图表/图表要素中所示内容的资料。必须在图例中清楚解释图表的 x轴和y轴，以及何时规定p值表示概率，并清楚说明这些p值所涉及的比较。

○如果使用細胞系，強烈建議作者在其手稿的材料和方法部分中包含以下信息：i）確認已對所用細胞系進行了支原體檢測; ii）確認所使用的細胞系已經過鑑定，並说明使用了哪種方法進行鑑定; iii）提供研究中使用的所有特定細胞系的來源，供應商和（如果有的話）目錄號。強烈建議作者根據國際細胞培養實踐指南（基本技術，支原體污染，傳代數等）提交詳細的方法，說明細胞系的維持和培養。此外，必須提供有關錯誤識別或交叉污染的細胞系的信息，並從國際細胞系認證委員會和 ExPASyCellosaurus數據庫進行交叉檢查，以排除其他細胞系的污染或其不正確的鑑定。如果先前已報告細胞係被污染或被錯誤鑑定，則該研究中使用的細胞系的 STR譜必須可供期刊編輯評估。

•结果
•讨论
•鸣谢
•参考文献

页码应连续编号，不应使用附注。

综述性文章：

•摘要，这一节应包括 150至 300个的单词，应连续（非结构化）且不含参考文献编号。
•根据主题需要，可设定不同的章节和副标题。
•综述的主标题应概述为紧接在摘要后面的加编号内容。

3.3图表

向我们提交图表，即表示图表或其中的某些部分尚未在其他期刊上刊登过（但在文本内提及或引述且已向我们提供批准的情况除外）。

显示任何病人或病人扫描的图像不得包含可识别病人身份的信息，除非您能提供病人就允许使用特定图像而出具的书面许可证明。

我们认为我们的期刊中的图表并非简单，为有助于清楚显示实验结果，我们可接受一定的调整。编制数字插图的指导原则是，应确保向我们提交的版本能诚实而准确地展现原观测资料，且不会导致可能对实验内容产生的误解。编辑可评估所提交的图像是否使用了鉴证工具和其他方法进行不可接受的编辑。这可能会延误您的稿件的进度及/或导致进一步调查和行动，以保持科学记录的诚信度，例如退回或撤销稿件。我们可能会索要未经编辑的原始源文件，并可能联系作者所在的机构来协助查询，以建立诚信。我们的指南建立在 Rossner和 Yamada（1）所述的原则之上。

•如果改变亮度、对比度或色彩平衡，有关改动会应用于所显示的整个图像，而不是选定的部分。就从凝胶或过滤器获得图像而言，请确保亮区中的细节未有丢失或暗区中的细节未被模糊化。

•不应选择性地增强、模糊化、删除或添加数据图像的特征。如果某个合成图像显示凝胶或污点带有来自独立分析的多组样本（或来自不同的曝光度）的痕迹，则使用黑线或白线进行明显的分组，并在图例中加以解释。应标注平铺图像个别面板的边界。

•在“方法”一节或个别图例中，请概述您对图像作出的改动以及所使用的方法。例如，Figure99.Lightmicroscopyofafrozensectionofalesionstainedwith toluidineblue.Originalmagnificationx100.Unevenilluminationwas correctedusingacontrolimageasdescribed(2).

(1) RossnerMandYamadaKM:What'sinapicture?Thetemptationofimage manipulation.JCellBiol166:11-15,2004.

(2) MartyGD:Blank-fieldcorrectionforachievingauniformwhitebackgroundin brightfielddigitalphotomicrographs.BioTechniques42:716-720,2007.

3.3.1文件格式

•可接受： ○压缩法不会降低图像质（LZW） (Welch-Ziv-Lempel)–文件，且由于 TIFF分层量，
昀好使用这种方法 ○JPEG文件（仅在原来以昀好的质量保存时）
•不可接受： ○导入或复制、粘贴到 Word或 PowerPoint的图像 ○BMP、GIF、PCT、PNG或原来以低质量保存的低质量 JPEG文件

3.3.2色彩模式

•可接受：

○彩色图表：请使用 RGB模式，原因在于 RGB能在屏幕上昀好地重现您在昀终PDF版文章中所列的数据。也接受 CMYK模式的文件。对于含有免疫荧光图像的手稿，图表必须在出版前以彩色模式提交。

○黑白图形和线条图：灰阶模式或 RGB模式。 ○带彩色图像和线条图的组合图表：RGB模式。

•请注意：

○欢迎使用彩色图表，但仅在计划以彩色翻印时，才须提交彩色图表（会收费）。

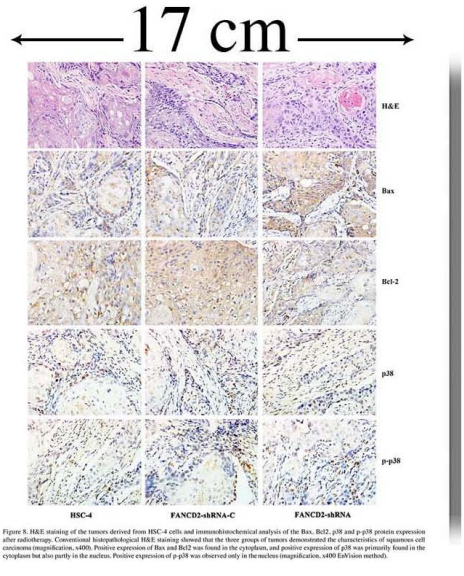
○每出版一张含有色彩的彩色页，收取 390欧元。 ○在评审后，则不能将彩色图改为黑白版。

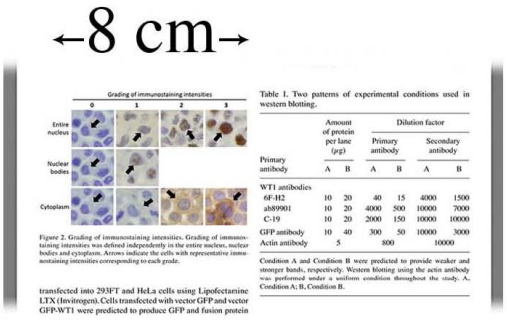
3.3.3图像大小

•图像大小以厘米或英寸计量

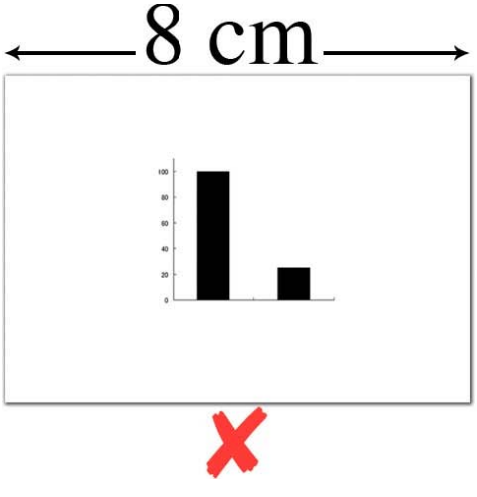
•请按印刷时的尺寸（宽度）创建您的图表 ○单栏图表的宽度是 8.00厘米（3.15英寸） ○双栏图表的昀大宽度（全页宽）是 17.00厘米（6.70英寸） ○昀大高度是 20.00厘米（7.87英寸）

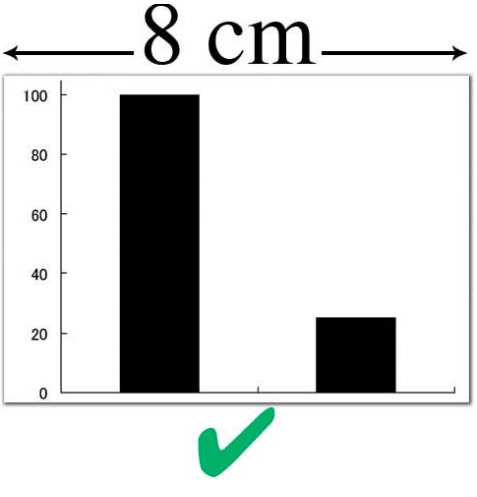
计算图像尺寸时，不应包括图表周围的空白区域。因此，应将图像裁减至尽量接近图表的外侧边缘。





如果图表太宽，或在 17 厘米范围内的信息太多，为保持细节清晰可辨，须将图表分成数个明确标示的单独部分。





3.3.4图像分辨率

•图像分辨率只是用于确定图像的每英寸像素数（也称每英寸点数或 dpi）的计量值，与按焦点、对比度和清晰度计量的图像质量无关。

•图像必须清晰，有良好的对比度，处于在期刊上出现的尺寸时清楚可辨。

•关于将印刷的尺寸（宽8或 17厘米）时，图像至少应为300dpi/英寸。

•如果放大图像，图像尺寸及/或分辨率（dpi）。

•不足会导致印刷图表的质量不佳（模糊）。

3.3.5导出/拍摄/保存图表

可通过扫描、数码摄影或从科学软件或程序（如 PowerPoint）导出来生成图表。

•扫描

○使用优质的扫描仪组件，将分辨率设为至少 300dpi，以 RGB模式扫描成彩色图像，或以灰阶模式扫描成线条图，或扫描成凝胶图，输出文件类型则昀好设为TIFF或质量昀佳的 JPG（压缩程度昀低）。

•数码照片 ○将简单照相机设为“细微”或“极细微”设置，帮助确保图像有足够的像素。 ○导出

•从科学绘图软件导出时，选择设置，确保有尽可能高的昀终尺寸和分辨率，且在昀终印刷尺寸中显示足够粗的线条。

•从 PowerPoint中导出时，请勿选择从“另存为”对话框中选择“另存为TIFF”，因为这样做不会导出有足够分辨率的图像。相反，（从“打印”对话框中）将单独的幻灯片图像另存为PDF，然后用图像编辑软件（如 Photoshop或 GIMP）打开该PDF，并在出现提示时将分辨率指定为300dpi。昀后，将生成的图像另存为TIFF文件（用 LZW压缩）。

•注意：昀初按不充足的尺寸和分辨率扫描、拍摄或导出的图表无法通过放大得到改善，即无法人为地提高低质量图表的分辨率。在提高 dpi时，使用图像编辑软件来保持图表尺寸不变，不会提高其质量。

3.3.6文件篇幅大小

•如果根据我们的指南来保存，文件极少会超过10MB。

•要降低图像的文件篇幅： ○确保图表处于出版时规定的精确宽度和高度（而不是更小），并确保图表以不超过

300dpi/英寸保存。 ○确保图像的图层已变平。 ○将黑白图表保存为灰阶。 ○确保用 LZW压缩法保存 TIFF文件。

○请考虑将文件保存为昀高质量的 JPEG。使用 LZW进行压缩，可能将这些文件处理成比 TIFF更小的文件，但会丢失某些细节。 ○可以试用压缩或填充工具，如 WinZip或 StuffIt。

3.3.7图表标签

•字号 ○标签必须与图像成适当的比例，轮廓清楚，且清晰可辨。 ○按适当的尺寸编制图表（8或 17厘米或 300dpi/英寸）时，标签字号应为8至 10磅。

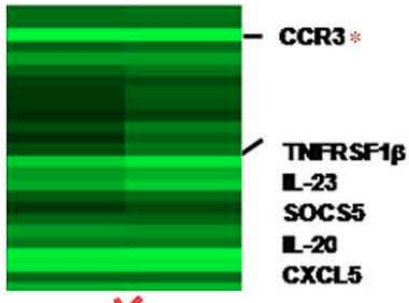
○如以超出印刷所需的字号来保存图表，则标签字号也须加大，以维持适当的比例。

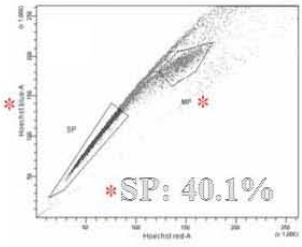
○如果标签不能适应8厘米宽的页面，除非字号小于 8磅，否则，图表须编制成双栏图表（宽14至 17厘米）。如果标签不能适应17厘米宽的页面，除非字号小于 8磅，否则，图表须分成若干部分。

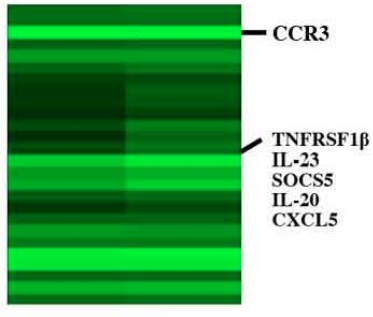
•字体格式和外观 ○标签必须使用标准字体（TimesNewRoman、Times、Arial、Helvetica或 Symbol字体）。 ○图表中的标签和编号必须使用相同的字体，并且字体大小必须一致。 ○标签应均刀隔开和对齐，容易看见（包括图表轴周围的指数），且不会因 JPG压缩失真而褪色、损坏或扭曲。请勿使用浅灰色线条或标签。

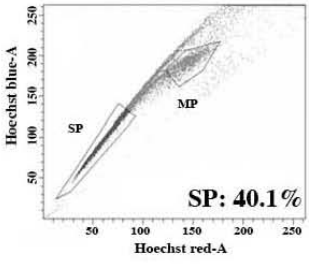
○标签和背景之间必须形成强烈的对比（如放入阴影条形图上的标签应设为与底纹相反的颜色，而不是与底纹相融合）。在可能的情况下，标签应放入白色背景上的黑色字体中。请考虑使用黑色标签和适用于形成对比的白色斜线。

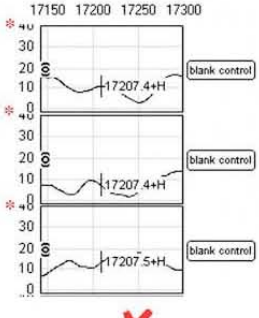
○标签的字母不得重叠、压缩、扩大、存在不必要的空隙或以其他方式不规则地隔开，且不得水平或垂直拉伸（扭曲）。 ○标签不得与图像的其他部分重叠或被掩盖，或被图像的边缘裁剪（剪切）。

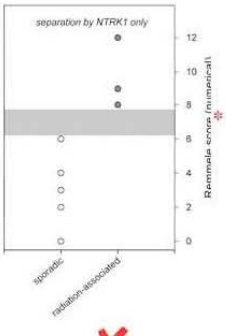

CCR3
TNFRSF1β
IL-23
SOCS5
IL-20
CXCL5

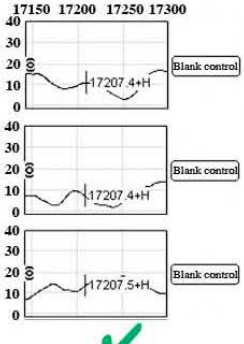

SP
MP
SP: 40.1%

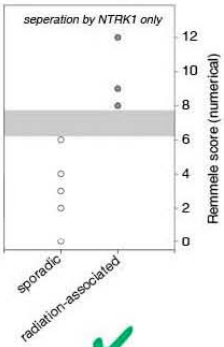

CCR3
TNFRSF1β
IL-23
SOCS5
IL-20
CXCL5


Hoechst blue-A
Hoechst red-A
SP
MP
SP: 40.1%


17150 17200 17250 17300
blank control
17207.4+H
17207.5+H


separation by NTRK1 only
Remmele score (numerical)
sporadic
radiation-associated


17150 17200 17250 17300
Blank control
17207.4+H
17207.5+H


seperation by NTRK1 only
Remmele score (numerical)
sporadic
radiation-associated

•标签格式和语言

○标签必须根据我们的规定的格式编制，根据稿件选择措辞，且没有拼写和其他语言错误。

○每个短句（不是每个单词）的首字母必须大写，如 “Overall survival(months)”，不能写成“Overall Survival (Months)”或“overall survival(months)”。

○请始终在小数点前使用前导零(0)：写成 0.5，而不是 .5。 ○小数点必须使用句点(.)，而不是逗号(,)。 ○计量单位前必须插入空格：132bp而不是 132bp；5mm而不是 5mm；1h而不是 1h。 ○计量单位必须写成：

•秒：sec

•分：min

•小时：h

•天：day(s)

•周：week(s)

•月：month(s)

•微：μ；写成 μ（可使用 Times或 Helvetica字体），而不是 u

•升：l，而不是 L

•千道尔顿：kDa、Da，而不是 kD

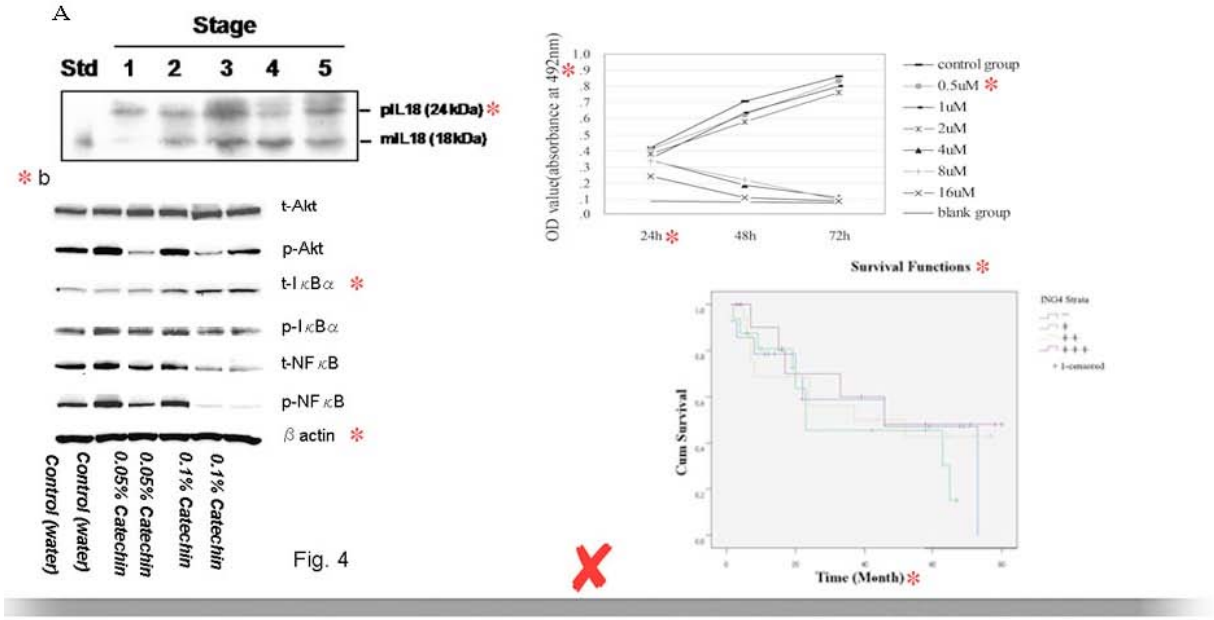
•必须使用正确的希腊符号插入希腊字母（可使用 Times、Helvetica或 Symbol字体），而不是全部写出，即 alpha：α；beta：β、ß（可使用 Times或Helvetica字体）；及 gamma：γ等。

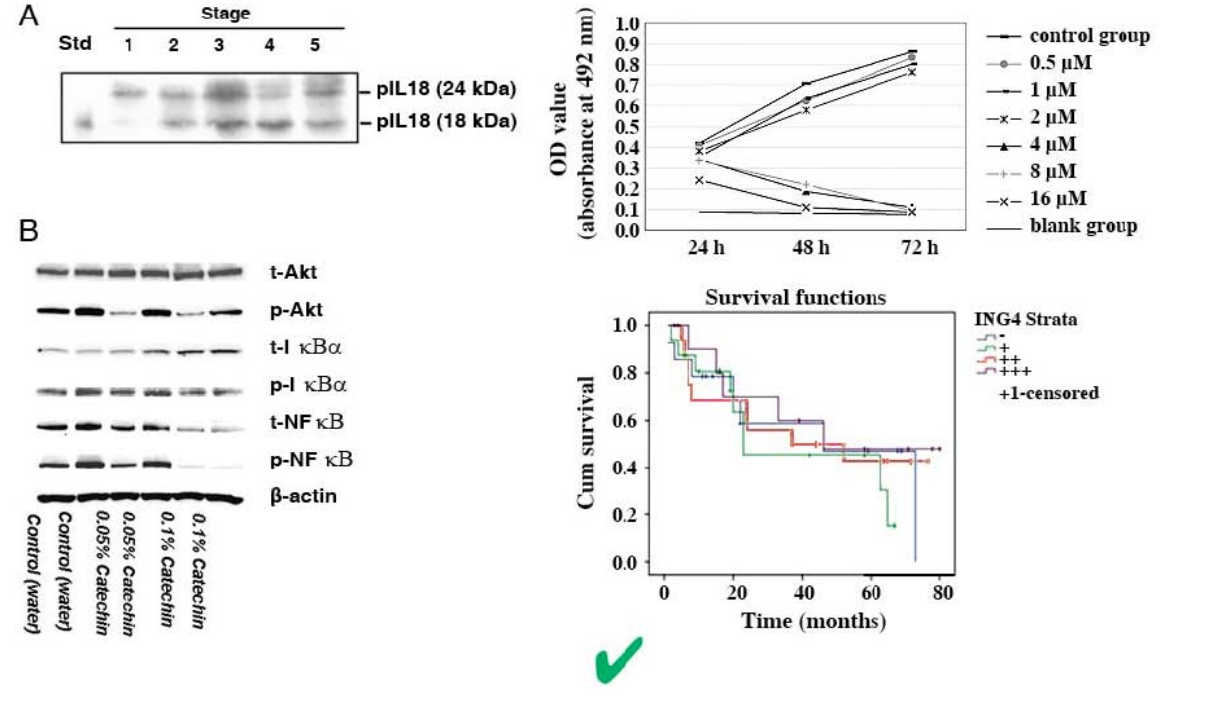
•图表可能会被分成独立的部分。各部分可另存为独立的文件（在文件名中清晰标示）或共同包括在一个文件内（明确标示各个部分）。

•图表的独立部分只应使用 A、B、C 加标签，而不是 1A、1B、1C。

•图表部分可能拆分和再分（如下所示）：

- A,B,C
-





Aa,b,c;Ba,b,c;Ca,b,c

- Aa-1,a-2,b-1,b-2;B,a-1,a-2,b-1,b-2

•图表的编号不得纳入到图像中，尤其是放在图像的重叠部分时（请用图表编号来命名文件）。

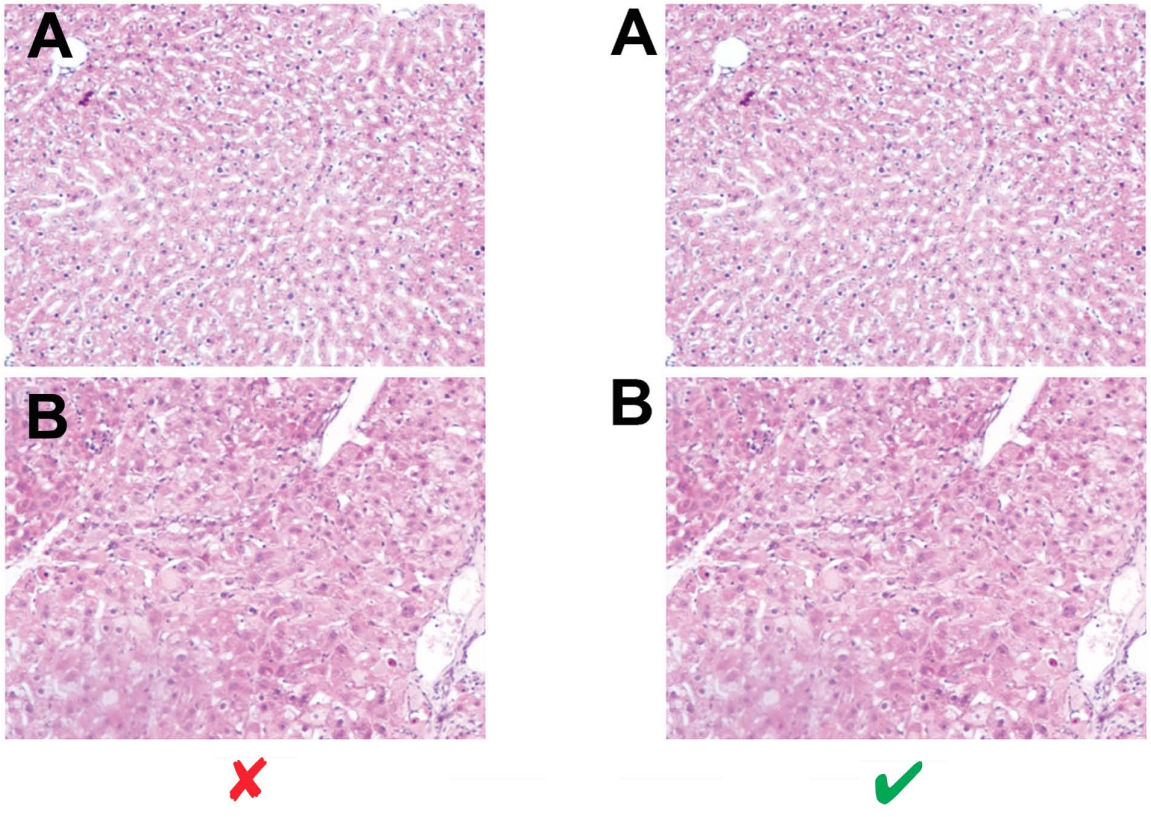
•A、B、C必须放在图表各部分的左上角，而不是叠盖在图像上。

3.3.8图表外观

•图表背景须为白色。不接受灰色背景（或任何其他颜色的背景）。

•应裁剪图表周围的白色空间，以使图像尽量接近页面边缘。

•不得让边界（边框）围绕图表及其特定部分。



•不得水平或垂直拉伸图表，使图表比例失调（扭曲）。

•示意图的线条不得使用黄色。相反，可使用任何较暗的颜色。

•即使采用小尺寸，线条图也应设为暗色，而线条和标签的厚度应足以清楚辨认。

•曲线图、坐标图和示意图中不得使用超过 5处灰色阴影。可使用图案。

•在曲线图、坐标图和示意图中，应避免使用不必要的颜色（如不会传达任何额外信息和仅用于轻微强调的颜色，或可用灰色阴影、图案或形状替换的颜色）。

3.3.9版权

•如果以往已出版过的某个图表或表格（即使您是稿件的作者），通常需要获得重新使用该图表或表格的版权许可。

•您必须说明原始来源，并提交版权持有人提供的书面许可，以在必要时翻印有关材料。

•作为稿件的作者，您有责任取得使用他人拥有的材料的许可。

3.4图例

•图例作为文本文档的一部分，且独立于图表文件，应逐一列出。
•图例必须始于概述整个图表的标题，后接各个面板和所使用符号的简短描。
•图中用于表示显著差异的所有符号（例如星号，标号）必须在图例中给出相应定义。
•必须在图例中界定所有误差条。
•图例不得包含任何方法细节。

3.5表格

•请把每个表格单独存成一份 Word文档。
•使用 TimesNewRoman字体.字体大小 12.行距 1.5。
•以罗马数字编号，如 TableI,TableII。
•包括简短标题。
•在表格的下面给出所有的符号和缩写的定义。

3.6补充资料

为支持和加强您的手稿，补充数据以及其他资料现在可以通过上传提交到我们的所有杂志。材料应该与手稿直接相关，并且可以包括音频，视频，表格和图表。补充数据应随原始文稿一起提交，这些数据也将经过同行评审。

我们可以接受的文件模式有：
JPG,JPEG,EPS,TIFF,TIF,DOC,DOCX,ODT,ODFandforvideo/audio:MKV,MOV,AVI,MPG,MPEG,MP4。

请注意，补充材料应在文本中引用:“FigureS1”、“TableS1”、“VideoS1”或“DataS1”。

3.7术语和缩写

•化学品的命名应遵循 ChemicalAbstractsService中指定的规则。
•在可能的情况下使用标准缩写。除非追讨特定制剂品牌的债权，否则请使用任何药物的通用名称。
•首次使用时必须界定新的缩写。

3.8生化试剂特性

提交到 Spandidos publications的稿件必须包含文中涉及所有新化合物的属性和纯度。作者应该提供化合物的来源，属性和纯度，即使他们是购买的或者是用现有的方法重新合成的。

3.8.1化学属性

有机和有机金属化合物的化学属性应该用光谱分析进行测定。作者应提供所有新化合物在 ^{1}H NMR 和 proton-decoupled ^{13}C NMR中的标准峰。关于新化合物，作者还应提供质谱信息以确定化合物的分子量。 UV和 IR质谱数据应被提供以确定其功能团。作者还应提及晶体的熔点范围以及手性化合物的旋光度。对于已知的化合物，作者应提供相关文献而不是具体实验步骤，除非作者是按照已有的方法进行结构调整。

3.8.2组合化学库

稿件应提供相关组合化学库中的标准特征数据

3.8.3分子生物学属性

如果作者无法以 NMR光谱的形式提供生物高分子化合物（低聚糖，多肽，核苷酸）的结构分析，则应提供测序及质谱数据以确定其属性。

3.8.4生物学属性

作者应提供质粒，融合蛋白，点基因突变的相关的测序及确定其属性的数据。

3.8.5样本纯度

作者应提供每个化合物的样本纯度，有机和有机金属化合物应提供 high-field ^{1}H NMR or ^{13}C NMR数据，小分子提供元素分析数据。小分子和聚合材料的定量分析，应提供色谱（e.g. GC, HPLC）或电泳数据。

3.8.6光谱数据

新化合物的详细光谱数据应在实验方法中提及，如果编辑需要作者还应提供光谱数据的图表，作者还应解释其 NMR数据的特异性。

3.8.7小分子晶体学数据

作者应提供所提及新小分子化合物的标准晶体学数据文件（.cif）;相关结构因素；结构图表。结构

因素应在 International Union of Crystallography（checkCIF）进行查询。小分子的晶体数据应提交在 Cambridge Structural Database，序列号应在稿件中列出。

3.8.8大分子结构数据

稿件中如果提及新分子结构，相关内容应以表格形式列出，所应用的分析软件应以文献形式提供。为证明结构数据的可信度，电子密度图应以立体图像展示（晶体学稿件）；以叠加最低能量展示（ >10; NMR稿件）；新型结构则应编辑需求以整个结构图展示。涉及冷冻电镜的部分，作者应提供相关颗粒的微型图。蛋白质结构应在 Protein Data Bank PDB (https://www.rcsb.org/)上提交，相关序列号应在文献中列出。

实验方法中的提纯部分应涵盖

Table I. Data collection and refinement statistics.

	Crystal name
Data collection	
Space group	
Cell dimensions	
a, b, c (Å)	
α, β, γ (°)	
Resolution (Å)	##()[a]
R_{sym} or R_{merge}	##()
$I/\sigma I$	##()
Completeness (%)	##()
Redundancy	##()
Refinement	
Resolution (Å)	
No. reflections	
R_{work}/R_{free}	
No. atoms	
Protein	
Ligand/ion	
Water	
B-factors	
Protein	
Ligand/ion	
Water	
R.m.s. deviations	
Bond lengths (Å)	
Bond angles (°)	

[a]Values in parentheses are for the highest-resolution shell. The number of crystals for each structure should be indicated in the table legend.

Ramachandran**统计**学分析，相关波长，温度以及束流线应被提及。

3.8.9化学结构

化合物结构应用绘图软件绘制，比如 ChemDraw，请确认加载相关设置(ACS Style sheet in ChemDraw):

- • Chain angle: 120°
- • Bond spacing: 18% of width
- • Fixed length: 14.4 pt (0.508 cm, 0.2 in.)
- • Bold width: 2.0 pt (0.071 cm, 0.0278 in.)
- • Line width: 0.6 pt (0.021 cm, 0.0084 in.)
- • Margin width: 1.6 pt (0.056 cm, 0.0222 in.)
- • Hash spacing: 2.5 pt (0.088 cm, 0.0347 in.)
- • Font: Arial/Helvetica
- • Size: 10 pt

3.9参考文献

•SpandidosPublications通过加入 Edifix来更新其服务，Edifix是一个自动链接和更正书目参考的新程序。

•根据期刊格式，列出前 9名作者。当作者超过10位时，Edifix将自动仅包含前 10位作者，其余的采用 (etal)。

•请使用U.S.NationalLibraryofMedicineCatalog[美国在线全国药品目录库]中载列的 NLM标题缩写来引述期刊标题。

•参考文献必须以提及的顺序连续编号。

•不得在首字母缩写或缩略语后使用句点。

•在文本中，按编号以圆括号引述参考文献，如(1-3)(1,2)。

•应提供包括首尾页的页码。

•以下为顺序和风格举例，应严格遵循：

- ○ SpandidosDAandWilkieNM:Malignanttransformationofearlypassage rodentcellsbyasinglemutatedhumanoncogene.Nature310:469-475,1984.
- ○ SpandidosA,WangX,WangHandSeedB:PrimerBank:Aresourceofhumanand mousePCRprimerpairsforgeneexpressiondetectionandquantification. NucleicAcidsRes38:D792-D799,2010.
- ○ BarbuCG,ArseneAL,FloreaS,AlbuA,SirbuA,MartinS,NicolaeAC, Burcea-DragomiroiuGTA,PopaDE,VelescuBS,etal:Cardiovascularrisk assessmentinosteoporoticpatientsusingosteoprotegerinasareliable predictivebiochemicalmarker.MolMedRep16:6059-6067,2017.
- ○ HallA,MorrisJDH,PriceB,LloydA,HancockJF,GardenerS,Houslay MD, Wakelam MJO and Marshall CJ: The function of the mammalian Ras proteins. In:
- Rasoncogenes.SpandidosDA(ed.)PlenumPubl.Corp.,NewYork,pp99-104, 1989.
- ○ JeongS,JingK,KimN,ShinS,KimS,SongKS,HeoJY,ParkJH,SeoKS, HanJ, etal:Docosahexaenoicacid-inducedapoptosisismediatedby activationofmitogen-activatedproteinkinasesinhumancancercells.BMC Cancer14:481,2014.
- •应避免采用个人通信。
- •在参考文献列表中，不能出现任何非英语文章。
- •可在文本中引述编制中或已提交但尚未被接纳的稿件和文摘，但不得录入参考文献列表。
- •EndNote的输出样式模板可从 SpandidosPublications或 ThomsonReuters下载。CSL1.0.1格式的输出样式文件可从 https://zotero.org/styles下载，并使用 Mendeley、 Papers和 Zotero等软件处理。

3.10声明

手搞末尾必须含有以下信息：

•鸣谢
•资金声明
•数据和材料共享声明
•作者贡献声明
•伦理审查批准和参加研究同意书
•出版同意
•利益冲突声明
•作者信息（选择）

如果任何以上内容不适合你的手稿，请填“Notapplicable”[不适用]。

鸣谢

所有不符合署名权标准的投稿者均应在“鸣谢/Acknowledgements”栏内列出。这可以包括提供纯技术帮助或协助写作的人，或只提供一般支持的系主管。科学(医学)作家或任何协助编写稿件内容的人的参与，应在适当的情况下，连同其资金来源，在“鸣谢/Acknowledgements”或“作者贡献声明/Authors'contributions”部分中明确地说明。作者应得到“鸣谢/Acknowledgements”部分中所提到的所有人的许可。如果您没有任何需要填的，请在本节写上“Notapplicable”[不适用]。请注意，本节中不应提及公司名称。

资金声明研究报告的所有资金来源均应声明。应该说明资助机构在研究和收集、分析和解释数据和撰写手稿方面的作用。如果没有得到资金,请在你的手稿中注明。参考格式： “Funding information isnotapplicable”/“Nofundingwasreceived”.

数据和材料共享声明

对于包含数据集手稿，作者应该在文章中包括“数据和材料共享声明/Availabilityofdataandmaterial”部分，说明数据来源。不希望共享数据的作者必须说明这一事实，并解释数据不可提供的原因。

数据和材料共享声明可以采用下列形式之一(或一个以上的列形式为多个数据集):

- • The datasets used and/or analyzed during the current study are available from thecorrespondingauthoronreasonablerequest.
- • The datasets generated and/or analyzed during the current study are available inthe[NAME]repository,[PERSISTENTWEBLINKTODATASETS].
- • All data generated or analyzed during this study are included in this publishedarticle.
- • The datasets generated and/or analyzed during the current study are not publicly available due to [REASON WHY DATA ARE NOT PUBLIC] but are available fromthecorrespondingauthoronreasonablerequest.
- • Data sharing is not applicable to this article, as no datasets were generated oranalyzedduringthecurrentstudy.
- • The data that support the findings of this study are available from [THIRD PARTY NAME] but restrictions apply to the availability of these data, which were used under license for the current study, and so are not publicly available. Data are however available from the authors upon reasonable request andwithpermissionof[THIRDPARTYNAME].

• Not applicable.如果你的手稿不包含任何数据，明 “Notapplicable”[不适用]。

鼓励作者将数据集存储在公开可用的存储库中。请引用公开的数据集在手稿中，写清数据的accessionnumber或 uniqueidentifier例如 DOI号码。存储库的选择完全由作者自行决定，但应注意的是，数据必须免费提供给读者。下面列出了推荐的存储库列表,有关详细信息，请参见 RegistryofResearchData Repositories。

建议数据库列表：

数据类型	数据库
研究成果 (包括补充附图和数据，以及多媒体附属文件)	Figshare
蛋白质序列	UniProt
高分子结构	WorldwideProteinDataBank(wwPDB) BiologicalMagneticResonanceDataBank (BMRB)
小分子的晶体学数据	TheCambridgeStructuralDatabase
DNA和 RNA序列	GenBank DNADataBankofJapan(DDBJ) EMBLNucleotideSequenceDatabase(ENA)
DNA和 RNA序列数据	NCBITraceArchive NCBISequenceReadArchive
单核苷酸多态性数据	dbSNP dbVAR EuropeanVariationArchive(EVA)
基因型和表型数据	dbGAP EuropeanGenome-phenomeArchive(EGA)
微阵列数据 [必须符合 MinimumInformationAboutaMicroarrayExperiment (MIAME)原则]	GeneExpressionOmnibus(GEO) ArrayExpress

作者贡献声明

在本节中说明作者对本文的贡献。请使用姓名缩写来说明每一位作者的贡献，例如:

“FC analyzed and interpreted the patient data regarding the hematological disease and the transplant. RH performed the histological examination of the kidney, and was a major contributor in writing the manuscript. All authors read and approved the finalmanuscript.”

请注意，“作者”通常被认为是对已发表的研究做出了实质性贡献的人。根据 ICMJE指南，作为一名作者，i)应该对构思和设计、数据获取、以及数据分析和解释作出重大贡献; ii)参与起草手稿或对手稿的重要内容进行实质性的修订; iii)核准昀终版本的出版。每一位作者都应充分参与工作，以便对手稿内容的相关部分承担共同责任; iv）同意对工作的各个方面负责，确保工作的准确性或完整性问题得到适当调查和解决。仅获取资助、收集数据，或对研究小组进行一般性的监督，通常并不足以证明作者的身份。请注意，修改作者身份在接受稿件后是不允许的。

如果在投稿之后及出版前对作者列表有任何修改，通讯作者必须联系杂志管理部门，并提供明确的修改理由。如果对作者列表的更改是适当的，并遵守上述的规定，通讯作者会被要求以书面的形式确认该项修改获得了所有其他作者的同意。SpandidosPublications将单独通知任何添加或删除作者列表的作者。

伦理审查批准和参加研究同意书

涉及人类参与、可识别身份的人类数据或人体组织的手稿必须包括伦理批准和知情同意的声明(即使有豁免知情同意书的批准)，请注明批准该研究的伦理委员会的名称和委员会的参考编号(如果适用)。涉及动物的研究也必须包括关于伦理认可的声明。

即使某项研究获得了豁免知情同意书的批准，也应在手稿中详细说明(包括授予豁免的伦理委员会的名称)。如有要求，应向编辑提供支持信息和文件。请注意，如果编辑认为研究没有在适当的伦理框架内进行，手稿可能会被拒绝。此外，如果在研究开始之前未获得伦理审查委员会批准，通常无法获得追溯性伦理批准，手稿则可能不会被考虑送审。在这种情况下，将由编辑决定是否进行同行评审。

临床试验被定义为“任何研究中，将人类参与者或一组人预先指定为一种或多种与健康相关的介入措施，以评估对健康的影响”。涉及临床试验的研究，文稿摘要的昀后一行应包括临床试验注册号码(TRN)和注册日期。关于合适的公开注册表，请参阅 ICMJE网站和 WHOInternational ClinicalTrialsRegistryPlatform。对于尚未进行前瞻性注册的临床试验，SpandidosPublications鼓励回顾性登记，以确保所有发表结果的完整性。在这种情况下，应将 TRN、注册日期和“retrospectivelyregistered[回顾性注册]”等字作为摘要的昀后一行。根据《赫尔辛基宣言》或任何其他相关原则，对涉及到人体受试者的研究应遵循国际和国家规定。对于所有涉及人体受试者或组织的研究，手稿应包括一份声明，声明研究以获得所有参与者的知情同意（参与研究或使用其组织的知情同意书）。研究应该获得父母或合法监护人的同意如果受试者在 16岁以下。

关于实验动物的使用，任何研究都必须遵循国际公认的动物福利指导原则，以及 U.K.Animals (ScientificProcedures)Act和相关指南，EUDirective2010/63/EU对动物实验，或国家卫生机构对实验动物的护理和使用指南。所有动物研究也应该遵守 ARRIVE指南和AVMA安乐死指南 2020。必须注明批准该研究的机构和/或伦理委员会，包括参考编号。伦理委员会在其运作中必须是透明的，不受研究人员、赞助者和任何其他影响。如果某项研究获得了豁免知情同意书的批准，也应在手稿中详细说明(包括授予豁免的伦理委员会的名称以及豁免的原因)。在研究涉及与普遍接受的动物研究规范不一致的情况下，编辑将考虑动物福利问题并保留拒绝手稿的权利。

出版同意

在未经知情同意的情况下，患者有隐私不受侵犯的权利。手稿中不得包括患者姓名、出生日期、医院号码、图像或声明等信息，除非这些信息对研究至关重要，并且得到患者(或父母或监护人)提供书面知情同意。手稿中发表任何相关数据和附图，必须包括患者，或父母，监护人或近亲提供了书面知情同意的声明。如有要求，必须向编辑提供同意书，并将以秘密方式处理。此外，案例报告或其他研究中，如包含任何可供辨识受试者的信息(个人信息或图像)，出版前必须征得患者或父母、监护人或近亲明确同意，并在手稿中声明。如果可能使受试者被认出来的材料在互联网上发表并打印出来，作者应该向患者公开（http://www.icmje.org)。

如果所有的可供辨识受试者的信息都被删除，手稿可能被考虑在没有书面同意的情况下发表。这必须是在公共利益大于潜在伤害，以及无法获得知情同意书，并基于一个正常人不可能反对出版的前提下。是否同意发表的旬终决定取决于编辑。

利益冲突声明

作者、审稿人和编辑必须声明研究的发表是否存在任何利益冲突。利益冲突发生在由于作者个人或其与他人或组织的财务关系（如工资、设备，或耗材的报销），或影响作者的客观和主观性的个人信仰，从而影响或潜在影响到作者对数据解释或信息表述。这也包括专利，赠款，资金，就业，个人关系，强烈的道德信仰，以及其他因素。这些利益冲突必须申明，因为它们可能影响到研究中的科学完整性或可靠性，以及在同期刊中的其他不相关的研究文献。利益冲突声明不需要包括公共资金来源如政府机构、慈善机构或学术机构等。例如，如果一个慈善基金会赞助了一项研究，而一家制药公司提供了这些药物，那么只需要提到制药公司。

在提交利益冲突声明时，应在封面信函和原稿中充分披露利益冲突，即使提交人认为其对研究没有影响。

若无利益冲突，须在“鸣谢/Acknowledgements”部分清楚说明如下:

“Competing interests. The authors declare that they have no competing interests, and allauthorsshouldconfirmitsaccuracy.”

若存在利益冲突，请将其列入“利益冲突声明/Competing interest”部分。有关利益冲突的范例:

ThepresentstudywassupportedbyJonesWomen'sUniversity,grantno.12345.

XYUniversityprovidedagraduatescholarshiptoDrJones.

ThecompoundxyzwaskindlyprovidedbyABCCompany,city,country.

在手稿接受之后，作者可能会被要求确认或更新，或提供进一步的细节。有关利益冲突声明要求的进一步详情请见：http://www.icmje.org。

作者信息（选择）

这部分为选项。您可以选择使用本节来提供有关作者的任何相关信息，这些信息可能有助于读者理解文章和作者的观点。信息可包括关于作者资历，所在机构或社会职位，或其他相关背景信息。当提到作者时，使用姓名缩写。请注意本节不应该用来描述任何利益冲突或作者的电子邮件地址。

3.11报告标准

SpandidosPublications建议作者在准备稿件时参考 EQUATORNetwork和 FAIRsharing.org。作者应遵循这些指导原则。

对于不同研究设计的检查表请看以下：

•随机对照试验（CONSORT）和方案（ SPIRIT）
•系统评价、元分析（ PRISMA）和方案（ PRISMA-P）
•观察性研究（ STROBE）
•案例分析（ CARE）
•定性研究（ COREQ）
•诊断/预测研究（ STARD和 TRIPOD）
•经济评估（ CHEERS）
•临床前动物实验（ARRIVE）

SpandidosPublications支持系统评价的预期注册，并鼓励作者注册将系统评价注册到合适的注册中心（如 PROSPERO）。请在文稿摘要的昀后一行包括临床试验注册号码。对于系统评价，作者应该描述搜索策略的所有细节。有关如何显示搜索策略的示例，请参阅 Cochrane评论者手册【CochraneReviewers'Handbook】。

4.校对

在投稿前，回复同行评审后，以及在校对阶段回答所提出的疑问时，作者必须仔细检查其稿件。任何错误都将如实录入昀终的 PDF和印刷版本中。

1. 再版应立即填妥并交回附有稿件接纳通知的再版订单。如需更多资料，请发邮件至: contact@spandidos-publications.com。
2. 文章处理费昀终接纳稿件后，作者可选择以下两种选项中的任一选项来支付出版费。如果您所在的机构是 SpandidosPublications的会员则可免费出版您的文章。选项1：出版费按昀终接纳的稿件的页数和彩色图表数计算。就选项1而言，Spandidos

Publications的所有期刊均收取同样的费用。

仅在打算用于出版时才应提交彩色图表。彩色翻印的费用按接纳稿件时的图表数计算。一旦接纳稿件，可能无法将图表变成黑白色。文章出版后 12个月内，可免费在线浏览文章。

	欧元	英镑	美元
基本费用 (5页)	550	500	550
每增加一页	110	100	160
彩色翻印（每页）	390	340	520

希望购买'开放获取'服务的其他期刊出版的作者必须使用选项2。选项2：不论总页数或总彩色图表数多寡，均适用固定费用。此外，文章可立即开放，并可在 PubMed、Pubmed Central和EuropePMC上搜索，符合多个机构的要求（"开放获取"部分）。

如果您所在的机构是 SpandidosPublications的金卡会员，则可免费出版您的文章。

	欧元	英镑	美元
InternationalJournalofOncology	2,500	-	2,600
OncologyReports	2,300	-	2,400
InternationalJournalofMolecular Medicine	2,500	2,180	2,500
MolecularMedicineReports	1,450	1,300	1,450
OncologyLetters	1,450	1,300	1,450
ExperimentalandTherapeuticMedicine	1,890	1,600	1,890
MolecularandClinicalOncology	1,890	1,600	1,890
BiomedicalReports	1,890	1,600	1,890

7.开放获取

•用户均可在期刊网站上免费浏览已出版的“开放获取”文章，并在 PubMedCentral和EuropePMC上在线检索。

•文章可根据CreativeCommonsAttribution-NonCommercial-NoDerivatives4.0国际许可证、CreativeCommonsAttribution-NonCommercial4.0国际许可证或 CreativeCommonsAttribution4.0国际许可证获得许可。

•SpandidosPublications的出版政策让作者能完全符合世界各地的主要资助机构的开放获取要求（请访问 www.sherpa.ac.uk，了解更多资料）。作者必须采取必要的行动来满足这些要求，包括自我存档，使用 SpandidosPublications的稿件寄存服务，以及根据适当的许可证选择开放获取的出版物。

•SpandidosPublications在文章出版后 12个月内免费提供文章。

•作者若希望购买《InternationalJournalofMolecularMedicine》、《MolecularMedicineReports》、《OncologyLetters》、《ExperimentalandTherapeuticMedicine》、《MolecularandClinicalOncology》和《BiomedicalReports》的立即开放获取服务，则必须选择选项2。

8.符合资助机构的要求

获机构 [如 NIH、HHMI、CancerResearch UK、惠康基金会、中国科学研究院（中科院）、中国国家自然科学基金会 (NSFC)等]资助和选择开放获取选项付费的所有稿件，将由出版商自动寄存，并在 PubMedCentral和 EuropePMC上对公众开放。此外，视乎机构的公开获取政策，没有购买开放获取服务的机构资助文章将在出版后 6至 12个月内在 PubMedCentral和 EuropePMC上寄存并对公众开放。

9.资助机构政策与协议

SpandidosPublications已获得同意，并制定政策，以使作者符合研究人员拨款奖励条件中指定的以下资助机构的稿件存档要求。

○关节炎研究运动（英国） ○奥地利科学基金 (FWF，奥地利) ○英国生物技术与生物科学研究委员会 (BBSRC，英国) ○英国心脏基金会（英国） ○癌症研究（英国) ○首席科学家办公室（英国) ○中国科学院 (CAS，中国) ○卫生部（英国） ○Dunhill医疗信托（英国） ○经济和社会研究委员会 (ESRC，英国) ○霍华德·休斯医学研究所（美国）

○医疗研究委员会（英国） ○国立卫卫生研究院（美国） ○中国国家自然科学基金委员会 (NSFC，中国) ○研究委委员会（英国） ○Telethon（意大利） ○惠康基金会（英国）

这能使作者符合其资助机构的存档政策，而不会违反与 SpandidosPublications订立的出版协议。

10.自我存档

鼓励作者在稿件出版后 6个月内向其机构的资料库及其资助机构的档案库提交其稿件的昀终出版商 PDF版本。其中必须包括在 SpandidosPublications上的已发表版本的链接，以及全部引述细节和对作为原始来源的期刊的鸣谢。已购买开放获取服务的作者可立即将昀终的出版商 PDF版加入其机构资料库和资助机构的档案库。

11.英语编辑、稿件编排和图表编制

如果英语不是您的母语，您可决定在投稿前让说英语的人士校对或编辑您的稿件。您的同事或专业服务可做到这点。清晰而简明的语言可使编辑和审稿人专注于您的稿件的科学内容。这可加快同行评审流程，确保您的文章不会只因英语之故而遭到拒绝。SpandidosPublications提供多种稿件服务，包括英语编辑服务。我们可通过英语编辑服务检查和润饰您的稿件中的英语用法。这种服务的编辑会关注您的稿件的拼写、语法、清晰度和风格。

如需要了解这种服务和其他服务的更多资料，请访问：
http://www.spandidos-publications.com/languageediting

请注意，作者使用这种服务或任何其他服务，决不能保证其投递的稿件会被 Spandidos期刊或任何其他期刊接纳。作者订立的任何安排仅与作者及其选择的公司有关。使用编辑服务并非获接纳出版的要求或保证。如需了解更多详细资料，请参见我们在关联网站上发表的免责声明。